
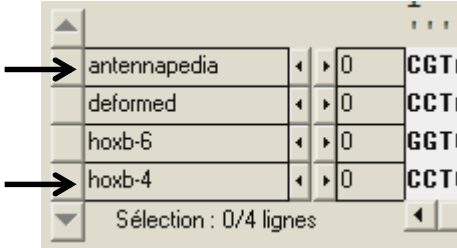




Objectif : comparer des gènes homéotiques de différentes espèces

Capacités : *B1 : Saisir des informations et les relier au problème*
C3 : Utiliser l'outil informatique

FICHE TECHNIQUE D'UTILISATION DU LOGICIEL ANAGÈNE

◆ L'objectif est de comparer des gènes homéotiques de drosophile (*antennapedia* et *deformed*) et de souris (*hoxb-4* et *hoxb-6*).

Cap	BAREME	ACTIVITES ET CONDITIONS DES ACTIVITES	EXIGENCES
B1		<p>On dispose du matériel suivant :</p> <ul style="list-style-type: none"> ☞ ordinateur + logiciel Anagène <p> Toute manipulation frauduleuse sur le PC, ou n'ayant aucun rapport avec le cours de SVT sera sanctionnée.</p>	Bien lire !
C3/.....	<p>A/ Ouvrir le logiciel en double-cliquant sur l'icône correspondante.</p> <p>B/ Suivre le chemin suivant : Fichier/Ouvrir/sauve/genes_homeotiques/Gnesh790.THM et ouvrir.</p> <p>☞ <i>Les 4 séquences nucléotidiques des gènes apparaissent. Une séquence correspond à un des 2 brins de l'ADN.</i></p> <p>C/ Comparer et noter le nombre de différences qu'il existe entre : - la séquence antennapedia et les trois autres séquences, - la séquence deformed et les trois autres séquences, - la séquence hoxb-4 et les trois autres séquences, - la séquence hoxb-6 et les trois autres séquences,...</p> <p>...en sélectionnant d'abord les 2 séquences à comparer et en cliquant sur le carré situé à gauche de chaque nom. (voir l'exemple ci-dessous)</p>  <p>☞ <i>Les 2 séquences sélectionnées apparaissent en surbrillance.</i></p> <p>... en allant ensuite dans le menu Traiter/Comparer les séquences/Comparaison simple.</p> <p>☞ <i>Une fenêtre s'ouvre et les différences éventuelles apparaissent. Le signe « - » signifie que les séquences sont identiques à cet endroit.</i></p> <p>... et en affichant enfin les informations concernant la comparaison :</p> <ul style="list-style-type: none"> - cliquer sur le curseur  en face de la case Traitement. ☞ <i>Les trois lignes apparaissent en surbrillance.</i> - cliquer sur la case  située dans la barre de menu. ☞ <i>Des informations relatives aux séquences nucléotidiques apparaissent dans une nouvelle fenêtre.</i> <p>D/ Suivre les mêmes étapes qu'au « C/ » pour les autres comparaisons.</p>	<p>Travailler en suivant le protocole</p> <p>Ne pas oublier de noter les différences sur une feuille de papier</p>